



The FoldImpact Symposium - From Structure to Function.

At September 21st 2025, in the Gene Bank Auditorium.

The **bioinformatics unit** is pleased to invite all members of the scientific community to the **FoldImpact Symposium**. Harvesting the power of AlphaFold's AI-based prediction of 3D protein structure from a linear sequence to elevate functional analysis.



Schedule:

- 9:15-9:30 Gathering.
- 9:30-10:00 AlphaFold review. Dr. Arye Harel, the Volcani Center, Rishon LeZion.
- 10:00-10:30 High-resolution modeling of protein-protein interactions using AI and physical models. Prof. Dima Kozakov, University of Texas, Austin.
- 10:30-10:40 Coffee break
- 10:40-11:00 Contrastive learning unites sequence and structure in a global representation of protein space. Prof. Nir Ben-Tal, Tel Aviv University.
- 11:10-11:40 Structure based function prediction. Prof. Chen Keasar, Ben-Gurion University of the Negev.

היחידה לביואינופורמטיקה מזמינה את כל חברי הקהילה המדעית להשתתף ב: FoldImpact סימפוזיום - ממבנה לתפקיד.
הסימפוזיום יתקיים ב- 21 לספטמבר באודיטוריום בנק הגנים.

מרצים: דר. אריה הראל, וולקני. פרופסור דימה קוזקוב מאוניברסיטת טקסס. פרופסור ניר בנטל מאוניברסיטת תל אביב ופרופסור חן קיסר מאוניברסיטת בן גוריון.